

| | | | |
|--------------|---------|----------|-----|
| Šifra modula | MCG I11 | Fakultet | PMF |
|--------------|---------|----------|-----|

**Modul
MOLEKULARNA CITOGENETIKA**

NASTAVNI PROGRAM

A. OPŠTI PODACI

| | | | | | |
|----------------------------|---------------------------|------------|--------|------------|--------------|
| Fakultet | Prirodno-matematički | | | | |
| Odsjek | Biologija | | | | |
| Smjer | Genetika | | | | |
| Semestar | V-VIII | | | | |
| Naziv modula | Molekularna citogenetika | | | | |
| Tip modula | Izborni | | | | |
| Broj kreditnih bodova | 2 | | | | |
| Kontakt sati | Ukupno | Predavanja | Vježbe | Seminarski | Konsultacije |
| | 40 | 15 | 15 | 5 | 5 |
| Samostalni rad (sati) | 10 | | | | |
| Modul relevantan za module | Smjer Genetika | | | | |
| Nastavno osoblje | | | | | |
| – Nastavnik nosilac modula | Prof. dr. Edina Muratović | | | | |
| – Ostali nastavnici | - | | | | |
| – Asistenti | - | | | | |

B. CILJEVI MODULA

Glavne intencije modula obuhvataju sticanje teorijskih i praktičnih znanja iz molekularne citogenetike koje se baziraju na promjenama kariotipa. Spoznaja tih promjena primarno omogućava rasvjetljavanje nepoznanica u toku diversifikacije evolutivnih procesa, a zatim i primjenu suvremenih metoda ove naučne discipline, kako u fundamentalnim tako i specifičnim stručnim oblastima istraživanja.

C. SPECIFIČNI ZADACI MODULA

Saznanja o promjenama unutar kariotipa bazirana su na studiranju linearne diferencijacije hromosoma i promjeni ukupne količine DNK. Upoznavanjem sa različitim hibridizacijskim metodama, te metodama klasičnog i fluorescentnog bojenja, stiču se predodžbe o tipovima osobenostima hromosomskih regija. Na hromosomima se detektuju područja koja sadrže

ribosomalne gene (5S, 18S, 28S), heterohromatinske regije konstitutivnog i fakultativnog heterohromatina kao i njihova zastupljenost pojedinim tipovima baza.

D. OČEKIVANI REZULTATI NASTAVNOG PROCESA

Od realizacije priloženog programa se očekuju:

- osnovne spoznaje o organizaciji genoma;
 - ovladavanje tehnikama klasičnog bojenja hromosoma;
 - ovladavanje tehnikama fluorescentnog oprugavanja hromosoma;
 - sticanje saznanja o osnovnim postulatima različitih hibridizacijskih tehnika;
 - usvajanje spoznaja o veličini genoma različitim skupina živog svijeta;
- osposobljavanje za primjenu metoda molekularne citogenetike u fundamentalnim i stručnim istraživanjima

E. SADRŽAJ NASTAVNOG PROCESA

| Br. | Nastavne teme i jedinice | Sati rada | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------|---|---|---|--------|-------------|
| | | Kontakt | | | | | Samo-stalno |
| | | P | V | S | K | Ukupno | |
| 1 | Komparativna analiza organizacije genoma kod prokariota i eukariota | 1 | 2 | – | – | 3 | – |
| 2 | <p><i>Tehnicki pristupi studije organizacije genoma na molekularno citogenetickom nivou:</i></p> <p>a) Tečna citometrija (odredjivanje veličine genoma);</p> <p>b) Fluorohrom banding (chromomycine – markiranje porcija DNK bogatih GC bazama; Hoechst ili DAPI –markiranje porcija DNK bogatih AT bazama);</p> <p>c) C-banding (odredjivanje baznog sastava porcija konstitutivnog heterohromatina) i upoređivanje C – pruga sa fluorohrom prugama;</p> <p>d) “chromosome penting”;</p> <p>FISH – Fluorescence <i>In Situ</i> Hybridisation (fizicko mapiranje određenih gena na nivou hromosoma i jezgara); GISH – Genomic <i>In Situ</i> Hybridisation (odredjivanje sastava genoma kod prirodnih i vjestackih hibrida)</p> | 6 | 7 | 2 | 2 | 17 | 5 |

| | | | | | | | |
|---------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------|-----------|----------|----------|-----------|-----------|
| | <i>Proučavanja evolucije organizacije genoma pomuću molekularne citogenetike:</i> a) <i>na nivou nukleusa</i> (veličina genoma sastav baza, organizacija hromosoma u mitotičkim i mejotičkim jezgrama, organizacija i aktivnost ribozomalnih gena, formiranje nukleolusa); b) <i>na nivou hromosoma</i> (hromosomske restrukturacije, organizacija centromera, telomere, sekundarnih konstrukcija, NOR-ova i ribosomalnih gena 18S-5,8S-26S i 5S, razumijevanje procesa disploidije, polyploidie, aneuploidie, pojave hromosoma B...); c) <i>na nivou repetitivnih sekvenci</i> (heterohromatin, DNK bogata AT ili GC bazama); d) <i>na nivou gena</i> (broj, lokalizacija, organizacija i aktivnost); | | | | | | |
| 3 | | 7 | 6 | 1 | 2 | 16 | 4 |
| 4 | Primjena molekularne citogenetike u agronomiji, veterini, medicini i drugim oblastima | 1 | - | 2 | 1 | 4 | 1 |
| Ukupno | | 15 | 15 | 5 | 5 | 40 | 10 |

F. PROVJERA ZNANJA I OCJENJIVANJE

| Provjera znanja – kriteriji | | | Ocjenvivanje | | |
|-----------------------------|------------------------|------------------|----------------------|-----------|----------|
| Kriterij | Maksimalni broj bodova | Bodovi za prolaz | Osvojeni broj bodova | Ocjena | |
| | | | | BiH | ECTS |
| Pohađanje nastave | 5 | 5 | < 55,00 | 5 | F |
| Angažman u nastavi | 5 | 0 | 55,00 – 64,99 | 6 | E |
| Testovi ¹ | 30 | 17 | 65,00 – 74,99 | 7 | D |
| Seminarski ² | 20 | 11 | 75,00 – 84,99 | 8 | C |
| Pismeni završni ispit | 40 | 22 | 85,00 – 94,99 | 9 | B |
| Ukupno | 100 | 55 | 95,00 – 100,00 | 10 | A |

¹ Ukupno **1 test** tokom semestra – poslije **10 sati** predavanja.

² Ocjenjuje se:

- a) kvalitet pisanog rada: do **8 bodova** (pristup temi – do **2 boda**, obrada teme i struktura rada – do **4 boda**, literatura – do **0,5 bodova**, grafički i drugi prilozi – do **0,5 bodova**, stil – do **0,5 bodova**, tehnička opremljenost rada – do **0,5 bodova**) i
- b) kvalitet prezentacije: do **2 boda** (prosjek ocjene koju daju studenti i ocjene koju daje nastavnik)

G. LITERATURA

Obavezna

- Bajrović, K., Jevrić-Čaušević, A., & Hadžiselimović, R. (2005). *Uvod u genetičko inženjerstvo i biotehnologiju*. Institut za genetičko inženjerstvo i biotehnologiju, Sarajevo.
- Dutrillaux, B., & Couturier, J. (1989). *Praktična analiza hromosoma*. Svjetlost, OOUR, Zavod za udžbenike i nastavna sredstva, Sarajevo.
- Ibrulj, S., Haverić, A., & Haverić A. (2008). *Citogenetičke metode: primjena u medicini*. Institut za genetičko inženjerstvo i biotehnologiju, Sarajevo.

Dopunska

- Clark, M. S., & Wall, W. J. (1996). *Chromosomes: The complex code*. Chapman & Hall, London.
- Jahier, J., Chevre, A. M., Eber, F., Delourme, R., & Tanguy, A. M. (1992): *Techniques de cytogénétique végétale*. INRA, Paris.
- Popescu, P., Hayes, H., Dutrillaux, B., coord. (1998). *Techniques de cytogénétique animale*. INRA, Paris.
- Schwarzaher, T., & Heslop-Harrison, P. (2000). *Practical in situ hybridization*. Bios Scientific Publishers, Oxford.
- Summner, A. T. (1990). *Chromosome banding*. Unwin Hyman, London.